



眼病遺伝子検査

検査結果報告書



本書について

本結果報告書は、REXA 株式会社の解析エンジンを用いて、あなたのゲノム情報を解析し、科学的根拠にもとづいて作成されています。

REXA 株式会社の解析エンジンは、大学などアカデミア研究機関の研究成果を用いて開発、実装されたものです。

本書についてのご注意

- ・ 本報告書は、医師による説明の際にもご利用いただけるものです。気になる疾患がある場合は、医師に説明を受けて、そのアドバイス・判断に従うことをお勧めします。
- ・ 本報告書は、日本人または日本人に遺伝的背景に近い東アジア人を対象とした研究論文を優先的に利用して作成されています。そのため対象外の方は、検査結果の精度が下がる可能性があります。
- ・ 本報告書は検査時点での医学的知見をもとにしています。医学は日進月歩変化する分野であり、長期間経過した場合には内容の変更が生じることも想定されます。

目次

はじめに	4
平均より遺伝的リスクの高い疾患一覧	8
罹患率（推定）・有病率(推定)順の疾患一覧	9
検査結果詳細	11
疾患別レポート	11
問い合わせ先	裏表紙



はじめに

■対象とする疾患について

今回の検査で対象としている疾患は、複数の遺伝要因と、様々な環境要因（飲酒、喫煙、運動不足など）が複雑に関与して発症する、多因子性疾患と呼ばれるものです（図1）。1つの遺伝子の異常により発症する単一遺伝子疾患については、今回の検査の対象とはしておりません。

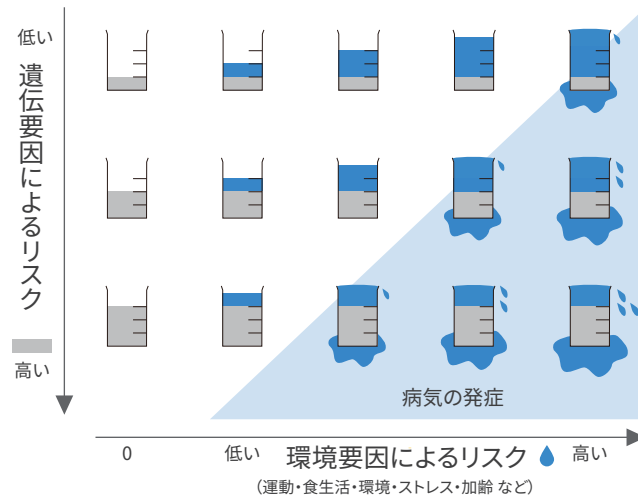


図1. 予防の概念

疾患の発症には遺伝要因と環境要因が関わっています。今回の検査でご報告する遺伝要因によるリスクは、生まれつき持っている性質で、一生変わることはありません。この図に示すように、遺伝要因のリスクに環境要因のリスクが加わり、健康状態を表すコップからあふれ出してしまうと病気を発症してしまうと考えられるとわかりやすいかもしれません。生まれつき遺伝要因のリスクが高い方でも、生活習慣改善などにより病気を起こしにくい環境を保てれば発症を予防することが期待できます。逆に遺伝要因のリスクが小さくても、疾患になりやすい環境であれば（例えば肺がんについての喫煙）発症することが懸念されます。

もしあなたがある疾患についての遺伝要因のリスクが高ければ、その疾患に関する環境要因のリスクを減らす生活を心がけることで、将来の発症を回避できるかもしれません。この検査は、このような期待をもって提供しています。

■どのように遺伝要因のリスクを調べるのか

私たちの体は、数十兆個の細胞からできています。すべての細胞1つ1つには、両親から受け継いだ、体を作るための設計図であるDNA（デオキシリボ核酸）が存在します。このDNAの設計図は、4種類の塩基（A（アデニン）、C（シトシン）、G（グアニン）、T（チミン））という文字で書かれています。ヒトのDNAの設計図は、約30億の塩基対で書かれています。このDNA情報すべてをゲノムと呼びます。

この30億塩基対の文字列は、全てのヒトで共通している訳ではありません。主要な部分は共通しているのですが、人によって異なる部分があります。この異なる部分を「DNA多型」と呼びます。このようなDNAの違いが、疾患のなりやすさや体質などの人による違いを決めているのです。

DNA多型には様々なものがあります。そのなかで1つの塩基の文字が異なる文字に置き換わっているDNA多型をSNP（スニップ、一塩基多型）と呼びます。例えば図2にあるように、AさんとCさんはTであるところが、BさんではGとなっているといった違いです。SNPはヒトでは1000塩基対に1個程度の頻度で存在します。つまりヒトには約300万のSNPが存在します。

Aさん――GTATTCAATGCCGTTACCTATCAGCATTAAC――
Bさん――GTATTCAAAGCCGTTACCTATAAGCATTAAC――
Cさん――GTATTCAATGCCGTTACCTATAAGCATTAAC――

図2. SNP の例

今回の検査では、約 300 万ある SNP のうち、既に疾患と関連性があることが科学的に示唆されている SNP を選んで解析します。このような SNP は、健常な人の集団と疾患の人の集団の DNA の配列を比較する、GWAS (Genome-Wide Association Study: ゲノムワイド関連解析) という研究で見つけ出されたものです。

■ 結果の表し方について

今回の検査で解析する SNP は、科学研究で疾患との関連性が証明されたものです。このような研究では、健常な人の集団と疾患の人の集団の DNA の配列を比較して、それぞれの SNP がどの程度疾患と関連しているかを統計的に計算します。疾患との関連が強い塩基をリスクアレルと呼びます。あるリスクアレルがあることにより、どの程度その疾患になりやすくなるのかをあらわした指標を、オッズ比といいます。

たとえば DNA のある位置が A の人の集団が、C の人の集団に比べて 1.5 倍その疾患にかかりやすい場合、A のリスクアレルを持つ集団のオッズ比は 1.5 となります。オッズ比が 1 とは、その疾患への罹患しやすさが両グループで同じということです。オッズ比が 1 より大きいとは、疾患へのかかりやすさがリスクアレルをもつグループでより高いことを意味します。逆に、オッズ比が 1 より小さいと、そのグループは疾患へのかかりやすさが低いということになります。

この報告書では、主に東アジア人集団において、あなたの持つ SNP のオッズ比をもとに、相対的にどのくらい疾患にかかりやすくなるかの倍率を求め、「遺伝的リスク」という用語を用いて記載しています。

■「遺伝的リスク」

「遺伝的リスク」とは、研究論文より抽出した、疾患に関連する SNP ごとのオッズ比をもとに、おもに東アジア人集団において、相対的にどのくらい疾患にかかりやすくなるかを倍率で表したものです。1つの疾患に関連する SNP が複数ある場合は、それぞれの SNP のオッズ比を掛け合わせた値が、その疾患の「遺伝的リスク」として記載されます。

■有病率

この報告書では日本人集団での疫学情報がある場合、その病気の罹患率または有病率を表示しています。

有病率とは、「ある時点での有病者数を、対象人口で割った値」です。例えば、白内障に関しては、「平成 29 年患者調査結果」（厚生労働省）の統計情報を利用していますが、これはある調査日における患者数から推計された有病者数であり、これを対象人口データで割った値が有病率になります。

また、先述の「遺伝的リスク」を有病率に掛け合わせた値も記載されます。これはあなたと同じ遺伝的リスクをもつ人の有病率を表しています。さらに、年齢別の統計情報がある場合は、年齢別有病率の推移も記載されます。

有病率の出典に関しては、疾患別レポートの疫学情報の出典に記載されます。

検査説明の際の注意点

□ 対象の疾患になるかならないかを予見、予測できるわけではありません

この検査では、対象とする疾患について将来発症する遺伝要因による危険性（リスク）、つまり疾患のかかりやすさを示すものです。あなたが将来、対象の疾患になるかならないかを予見、予測するものではありません。1つのDNAの違いだけで発症が予測できる、一部の遺伝性の強い家族性腫瘍や単一遺伝子疾患は、本検査の対象ではありません。

□ 対象の疾患になる遺伝的リスクが平均より低い場合でも、その疾患を発症しないような生活習慣を心がけることが大切です

本検査では、現時点で疾患との関連性が十分示唆されているSNPのみを根拠に、疾患の遺伝的リスクを計算して結果をあなたにお伝えします。他にも疾患にかかわっているSNPが存在する可能性があることから、この検査で提示している疾患の遺伝要因のリスクは、全リスクの一部にすぎません。さらに環境要因（たとえば飲酒歴、喫煙歴、運動不足など）も疾患の発症に大きく関係します。遺伝的リスクが低いと判定される方でも、環境要因が重なると疾患を発症する可能性があります。このため本検査の結果に関わらず、どの疾患についても発症しないような生活習慣を心がけることが大切です。

□ 将来その疾患になるリスクを知ることで、少しでも予防や早期発見に役立てたいという人に向いています

この検査で、遺伝的リスクが高いと判定された場合、今後の生活習慣を改善する、あるいは科学的にその疾患の予防に役立つと提唱されている予防法に努めることなどで、本検査を受けなかった場合よりも、その疾患にかかりにくくなることが期待されます。検査で知った疾患の遺伝的リスクに対して予防や早期発見に向けた行動を起こすことに、本検査を受ける意義があります。

平均より遺伝的リスクの高い疾患一覧

		あなたの 遺伝要因の リスクが高い 疾患	検査結果 詳細
高い	認知症 レビー小体型認知症	P.	P.29
	認知症 血管型認知症		P.30
平均より 高い	緑内障 原発開放隅角緑内障	P.	P.17
	糖尿病 2 型糖尿病	P.	P.32

有病率（推定）順の疾患一覧

有病率 (推定)		あなたの 遺伝的リスク	疾患ごとの 詳細レポート
2.4%	糖尿病 2型糖尿病	1.1 倍	P.32
2.3%	高血圧	0.33 倍	P.34
1.2%	加齢黄斑変性（滲出型） 滲出型加齢黄斑変性	0.99 倍	P.14
0.47%	冠動脈疾患	0.87 倍	P.35
0.12%	認知症 アルツハイマー病	0.5 倍	P.28



検査結果詳細

疾患別レポート

遺伝子解析結果から計算された
疾患ごとのリスクについて説明します

この章の目次

疾患名	フェノタイプ	ページ
加齢黄斑変性（滲出型）	滲出型加齢黄斑変性.....	14
緑内障	落屑症候群.....	16
	原発開放隅角緑内障.....	17
	閉塞隅角緑内障.....	18
フックス角膜内皮ジストロフィー	フックス角膜内皮ジストロフィ.....	19
糖尿病性網膜症	糖尿病性網膜症.....	20
白内障	加齢に伴う白内障.....	21
近視	強度近視.....	22
遠視	遠視.....	23
乱視	角膜乱視.....	24
	屈折乱視.....	25
加齢性難聴	加齢性難聴.....	26
耳硬化症	耳硬化症.....	27
認知症	アルツハイマー病.....	28
	レビー小体型認知症.....	29
	血管型認知症.....	30
うつ	うつ.....	31
糖尿病	2 型糖尿病.....	32
高血圧	高血圧.....	34
冠動脈疾患	冠動脈疾患.....	35
高コレステロール血症	高コレステロール血症.....	36
アトピー性皮膚炎	アトピー性皮膚炎.....	37

この章の読みかた

① リスク度合い

遺伝子解析結果から計算されたリスクを示しています。
[リスク度合い] [遺伝的リスク]
非常に高い : 10倍以上
高い : 2倍以上～10倍未満
平均より高い : 1.1倍以上～2倍未満
平均または平均より低い : 1.1倍未満

② あなたの遺伝的リスク

疾患との関連が知られている SNP のオッズ比を用いて、各個人の遺伝子型から、日本人の罹患率（または有病率）と比べて何倍となるかを算出した値が示されます。算出に用いる SNP は SNP 一覧に記載されます。
図は東アジア人集団における遺伝的リスクの分布（ヒストグラム）※であり、点があなたの遺伝的リスクを示しています。

③ 罹患率（または有病率）

日本人集団での疫学情報がある場合、罹患率または有病率が記載されます。
また、遺伝的リスクを罹患率（または有病率）に掛け合わせた値が、あなたと同じ遺伝的リスクを持つ人の推定値として示されます。

④ SNP 一覧

遺伝的リスクの算出に用いた、疾患との関連が知られている SNP の一覧です。

加齢黄斑変性（滲出型）

滲出型加齢黄斑変性

平均または平均より低い

遺伝子解析結果

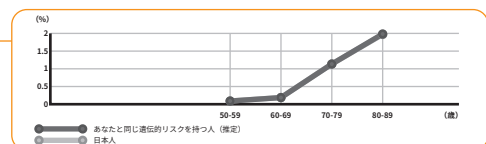
遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均または平均より低いことが判りました。



■ SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rs9262579	CFH	1	A/C	CA	48.8%	1.01
rs371426	AC009975.1	2	T/C	TT	59.9%	0.749
rs602874	REST	4	T/G	TT	47.4%	0.856
rs1550170	SLC44A4	6	A/T	TT	80.6%	1.04
rs184223	ALI09615.3_C6orf223	6	G/A	AG	37.5%	1.11
rs2167951	AC100861.1_AC100861.2	8	G/T	TG	44.9%	1.08
rs2389813	ABRF2_B042424.1	10	G/T	TG	48.1%	0.982
rs1173554	HTRA1	10	G/T	TG	49.0%	1.00
rs9496936	FGF6	12	T/C	CT	35.7%	1.07
rs2631150	CETP_HERPUD1	16	C/A	AC	28.8%	1.22
rs1292689	CETP	16	A/G	AA	54.0%	0.959

■ 年齢別罹患率の推移



■ 疫学情報出典

Figure 1. K. Saito. Ophthalmol, 2018, Prevalence and Risk Factors for Polypoidal Choroidal Neovascularity in a General Japanese Population: The Hyogo Study

検査結果報告書 | 検査結果詳細 (疾患別レポート)

REXA, Inc.

SNP

ヒトのゲノムには、個人差があることが知られています。
塩基配列の個人差が集団中で一定以上みられる場合に遺伝子多型と呼ばれ、1塩基の多型を SNP (single nucleotide polymorphism: 1塩基多型) といいます。

SNP ID

SNP に対して定義された識別子です。当該 SNP を検出できなかった場合は、東アジア人集団において強い連鎖不平衡 (2つの SNP 間で特定のアレルの組み合わせの存在頻度が有意に高い関係) にある SNP (Proxy SNP) ※が使用されます。

遺伝子名

各 SNP と疾患との関連についての参考文献において報告されている遺伝子名が示されています。

染色体番号

各 SNP が位置する染色体の番号です。常染色体には 1 から 22 番、性染色体には X と Y がつけられています。

アレル

各 SNP が位置する染色体上の場所 (座位) において取りうる塩基 (アレル) のうち、疾患との関連の度合いを増すアレル (リスクアレル) が右に、その逆のアレルが左に示されています。例えば「A/C」のとき、あなたの遺伝子型に「C」が含まれていれば遺伝的リスクが高く算出される傾向になります。

あなたの遺伝子型

遺伝子解析の結果検出されたあなたの遺伝子型 (両親由来の 2 つのアレル) が示されています。例えばアレルが「A/C」のとき、あなたの遺伝子型は「AA」「AC」「CC」の 3 通りのいずれかが表示されます。

集団内の頻度※

東アジア人集団において、あなたと同じ遺伝子型を持つヒトの頻度 (%) を示しています。

あなたの遺伝的リスク

疾患との関連が知られている SNP について、そのオッズ比を用いて算出した遺伝的リスクが示されています。ここでは、各 SNP でのあなたの遺伝子型における遺伝的リスクが示されています。

⑤ 年齢別罹患率の推移 (または年齢別有病率の推移)

日本人集団での疫学情報 (罹患率または有病率) について、年齢別の統計情報がある場合は、年齢別の値がグラフとして記載されます。

(※) については The 1000 Genomes Project のデータをもとに作成:

A global reference for human genetic variation, The 1000 Genomes Project Consortium, Nature 526, 68-74 (01 October 2015) doi:10.1038/nature15393.

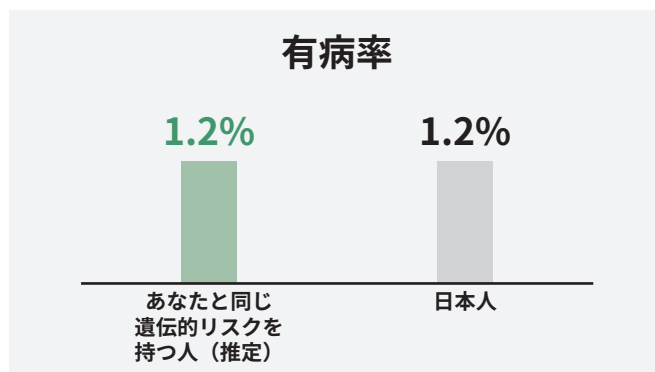
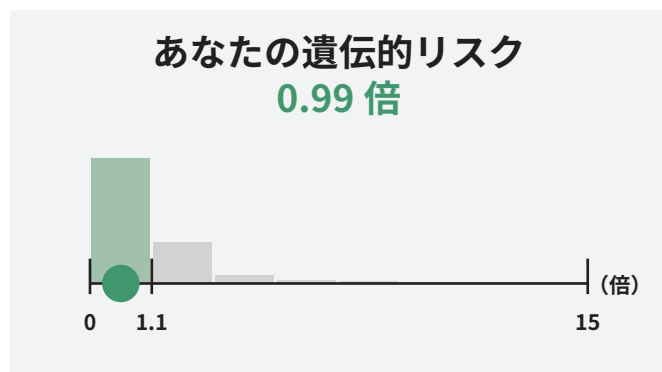
加齢黄斑変性（滲出型）

滲出型加齢黄斑変性

平均または平均より低い

遺伝子解析結果

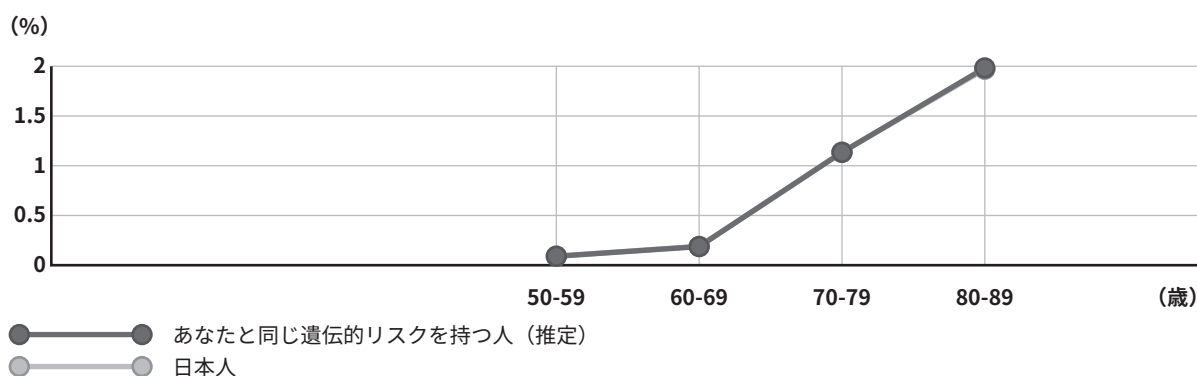
遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均または平均より低いことが判りました。



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx09626579	CFH	1	A/C	CA	48.8%	1.01
rx3371426	AC009975.1	2	T/C	TT	59.9%	0.749
rx0602874	REST	4	T/G	TT	47.4%	0.836
rx01550170	SLC44A4	6	A/T	TT	80.6%	1.04
rx1184223	AL109615.3, C6orf223	6	G/A	AG	37.5%	1.11
rx02167951	AC100861.1, AC100861.2	8	G/T	TG	44.9%	1.08
rx09389813	ARMS2, BX842242.1	10	G/T	TG	48.1%	0.982
rx1173554	HTRA1	10	G/T	TG	49.0%	1.00
rx09496936	FGD6	12	T/C	CT	35.7%	1.07
rx2653150	CETP, HERPUD1	16	C/A	AC	28.8%	1.22
rx1292689	CETP	16	A/G	AA	94.0%	0.959

年齢別有病率の推移



疫学情報出典

・ Fujiwara K, Semin Ophthalmol, 2018, Prevalence and Risk Factors for Polypoidal Choroidal Vasculopathy in a General Japanese Population: The Hisayama Study

参考文献

- Dummy D, Dummy, 2021, Dummy



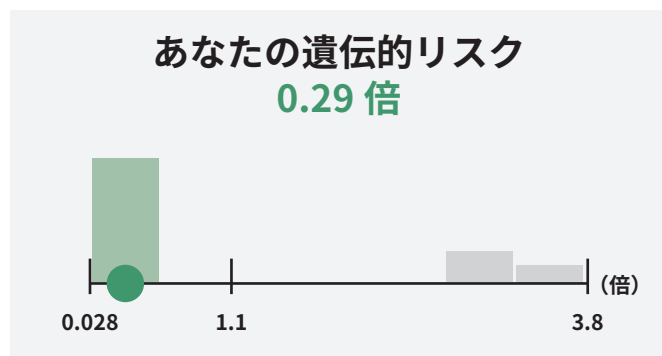
緑内障

落屑症候群

平均または平均より低い

遺伝子解析結果

遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均または平均より低いことが判りました。



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx3775665	LOXL1	15	G/A	AG	49.9%	0.311
rx3815133	CACNA1A	19	T/C	TT	63.5%	0.945

参考文献

・ Dummy D, Dummy, 2021, Dummy

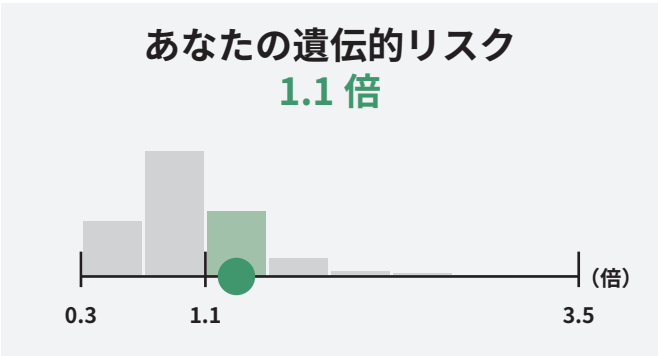
緑内障

原発開放隅角緑内障

平均より高い

遺伝子解析結果

遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均より高いことが判りました。



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx0081304	HSP90B3P, AL714022.1	1	A/G	GA	24.0%	1.08
rx45006891	FMNL2	2	C/A	AA	94.6%	1.00
rx48410700	AFAP1	4	C/T	TT	44.7%	1.03
rx5802429	near CDKN1A	6	A/G	AA	15.9%	0.90
rx8383346	AL138828.1, PDE7B	6	A/T	TA	44.1%	0.989
rx09700534	CDKN2B-AS1	9	A/G	AA	79.7%	0.906
rx1361383	CT70, AL359182.1	9	C/T	TT	26.3%	1.17
rx213683	near TMTC2	12	T/G	TT	76.9%	0.966
rx5462296	LINC02322, C14orf39	14	T/G	GT	38.9%	0.899
rx24044916	SALRNA1, AL049874.1	14	C/G	GG	61.3%	1.12
rx1482110	TCF12	15	G/A	AA	65.7%	1.08
rx8802800	GAS7	17	G/A	AG	49.9%	0.997

参考文献

• Dummy D, Dummy, 2021, Dummy

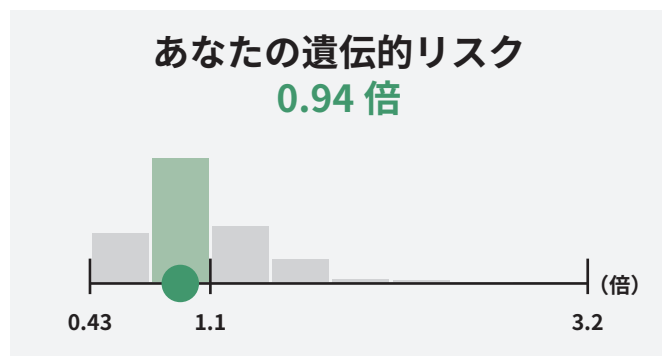
緑内障

閉塞隅角緑内障

平均または平均より低い

遺伝子解析結果

遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均または平均より低いことが判りました。



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx2642730	COL11A1	1	A/G	GA	41.7%	1.07
rx2705304	EPDR1, SFRP4	7	G/A	GG	79.0%	0.954
rx0904102	AC064807.2	8	C/T	CC	97.2%	0.987
rx625782	GLIS3	9	A/G	GA	38.7%	0.923
rx2628710	AL157935.1	9	A/G	AA	54.3%	0.925
rx0147156	C10orf53	10	G/A	AA	58.2%	1.09
rx00913091	PLEKHA7	11	T/C	CT	46.6%	1.03
rx6383268	FERMT2	14	T/C	CT	47.0%	0.967

参考文献

・ Dummy D, Dummy, 2021, Dummy

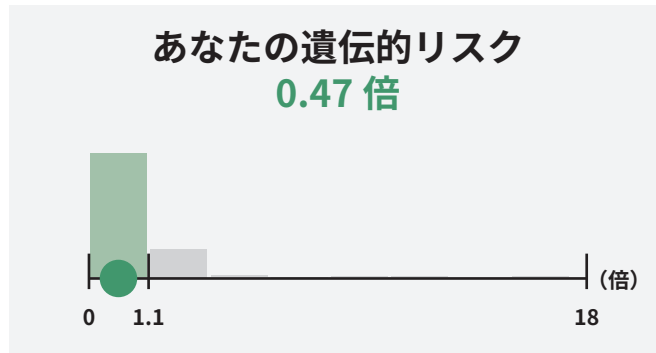
フックス角膜内皮ジストロフィー

フィクス角膜内皮ジストロフィ

平均または平均より低い

遺伝子解析結果

遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均または平均より低いことが判りました。



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx68631784	KANK4	1	T/C	TT	97.6%	0.974
rx0199003	ATP1B1	1	A/G	AA	75.1%	0.89
rx2657506	LAMC1	1	C/T	TC	44.2%	1.09
rx673146	TCF4	18	C/T	CC	80.2%	0.503

参考文献

- Dummy D, Dummy, 2021, Dummy

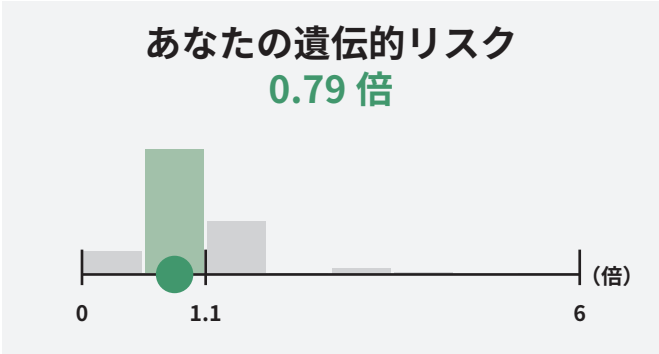
糖尿病性網膜症

糖尿病性網膜症

平均または平均より低い

遺伝子解析結果

遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均または平均より低いことが判りました。



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx06265345	KIAA0825	5	G/A	AA	91.7%	1.06
rx01108014	PLXDC2, AMD1P1	10	G/T	GG	82.2%	0.857
rx3727594	ARHGAP22	10	T/C	TT	82.8%	0.817
rx1927712	HS6ST3	13	T/G	GG	91.2%	1.06

参考文献

・ Dummy D, Dummy, 2021, Dummy

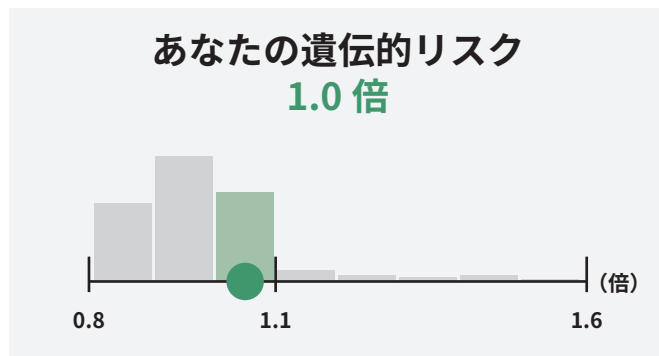
白内障

加齢に伴う白内障

平均または平均より低い

遺伝子解析結果

遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均または平均より低いことが判りました。



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx6504457	AC091607.2, KCNAB1	3	T/G	TT	83.1%	0.979
rx64701835	LINC02328, FLRT2	14	G/A	GG	97.0%	0.989
rx00800164	LINC00322, CRYAA	21	A/G	GG	21.1%	1.08

参考文献

- Dummy D, Dummy, 2021, Dummy

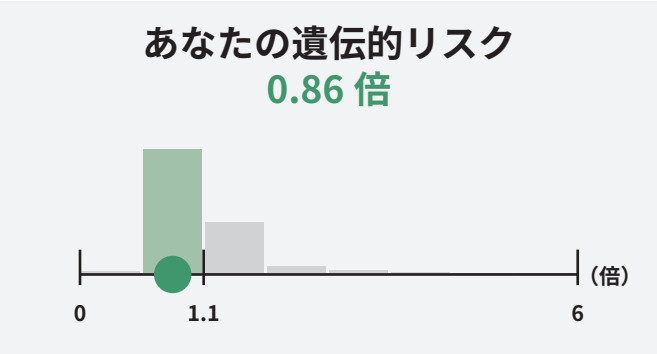
近視

強度近視

平均または平均より低い

遺伝子解析結果

遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均または平均より低いことが判りました。



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx587936	HIVEP3 (intron)	1	C/G	CC	31.2%	0.804
rx1135550	NFASC (intron)	1	T/C	TT	47.1%	0.855
rx01921538	ZC3H11B (3'UTR)	1	T/G	GT	43.8%	0.902
rx06918195	CNTN4, CNTN6 (intergenic)	3	C/T	TC	45.3%	0.921
rx63522962	FRMD4B (intron)	3	C/T	TC	19.4%	1.37
rx65892320	LINC02418 (intron)	12	T/A	TT	87.9%	0.919
rx478024	GJD2 (3'UTR)	15	A/G	GG	20.1%	1.30
rx17304831	RASGRF1 (5'UTR)	15	C/T	TC	49.7%	0.972
rx61637059	AKAP13 (intron)	15	G/T	GG	92.5%	0.936

参考文献

・ Dummy D, Dummy, 2021, Dummy

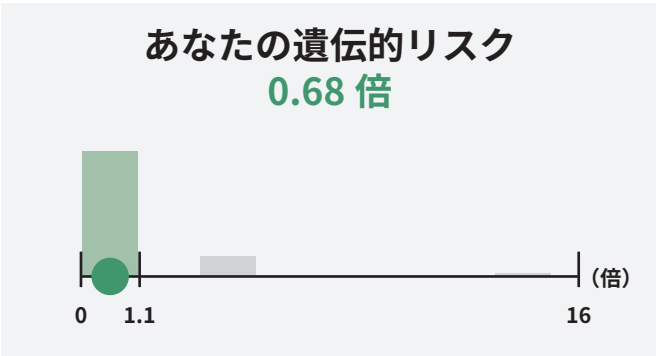
遠視

遠視

平均または平均より低い

遺伝子解析結果

遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均または平均より低いことが判りました。



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx09978406	AC087698.1, RNA5SP267	8	C/A	CC	47.4%	0.215
rx00962959	LINC02252, GJD2	15	C/A	AA	20.0%	3.15

参考文献

・ Dummy D, Dummy, 2021, Dummy

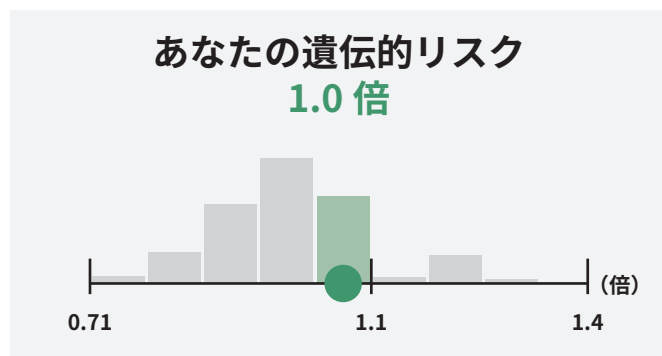
乱視

角膜乱視

平均または平均より低い

遺伝子解析結果

遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均または平均より低いことが判りました。



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx61518569	AL356364.1, ZC3H11B	1	G/A	AA	38.8%	1.05
rx6562873	PDGFRA, AC058822.1	4	C/T	TC	34.3%	1.06
rx01802721	HERC2	15	G/A	AA	67.7%	1.02
rx51964611	TSPAN10, NPLOC4	17	A/G	GA	26.1%	0.947

参考文献

・ Dummy D, Dummy, 2021, Dummy

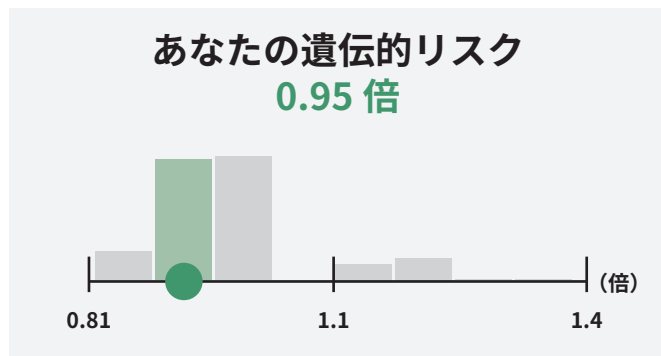
乱視

屈折乱視

平均または平均より低い

遺伝子解析結果

遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均または平均より低いことが判りました。



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx0390216	NRXN1	2	G/A	GG	85.9%	0.977
rx09835496	CASC15	6	A/G	GA	44.2%	0.973

参考文献

- Dummy D, Dummy, 2021, Dummy

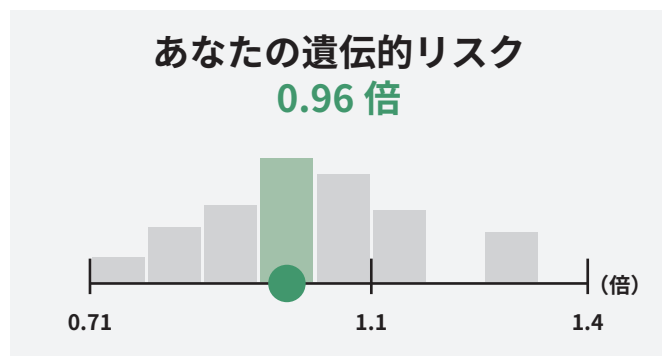
加齢性難聴

加齢性難聴

平均または平均より低い

遺伝子解析結果

遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均または平均より低いことが判りました。



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx3821085	AC103982.1, ISG20	15	A/T	TA	49.9%	0.983
rx47278047	TRIOBP	22	A/D	DA	48.6%	0.98

参考文献

・ Dummy D, Dummy, 2021, Dummy

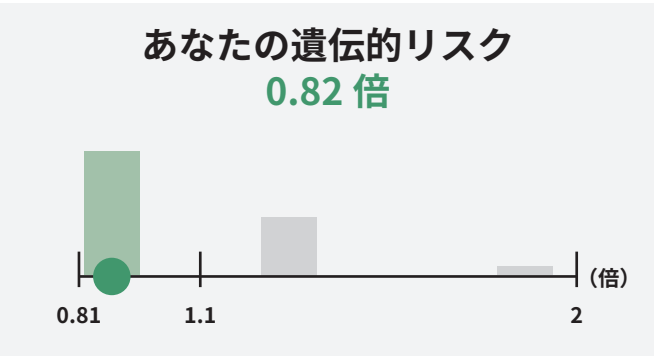
耳硬化症

耳硬化症

平均または平均より低い

遺伝子解析結果

遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均または平均より低いことが判りました。



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx2803021	RELN	19	T/C	TT	65.1%	0.82

参考文献

・ Dummy D, Dummy, 2021, Dummy

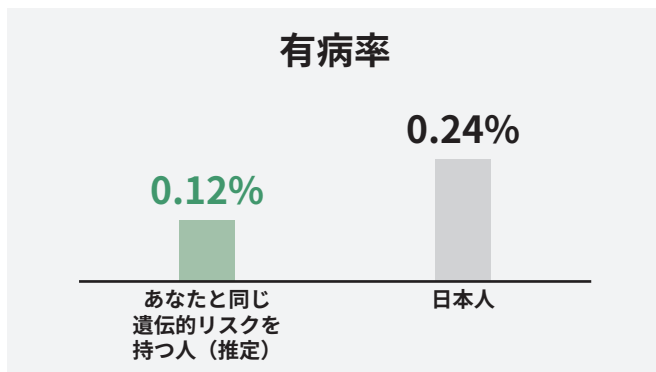
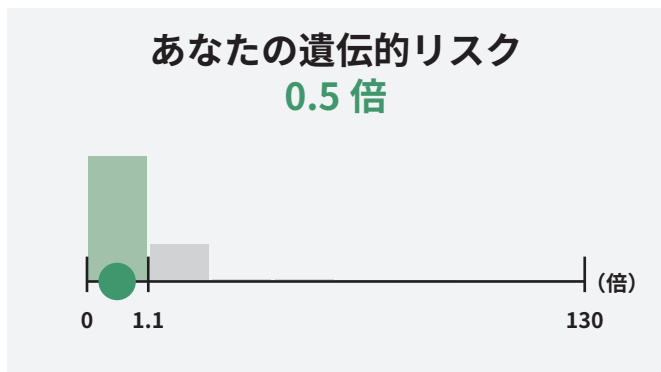
認知症

アルツハイマー病

平均または平均より低い

遺伝子解析結果

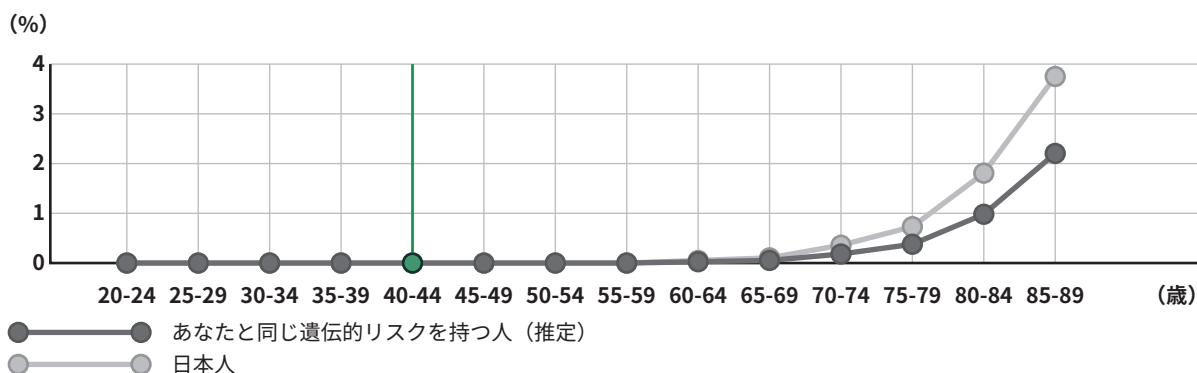
遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均または平均より低いことが判りました。



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx09681721	PICALM	11	A/G	AA	16.7%	0.736
rx00107232	SORL1	11	A/C	AA	50.6%	0.879
rx3036818	ABCA7	19	G/A	GG	41.8%	0.861
rx408002	NECTIN2	19	C/G	GC	27.2%	1.50
rx172700	NECTIN2, AC011481.2	19	A/G	AA	63.5%	0.577
rx5746	NECTIN2, AC011481.2	19	C/T	CC	81.0%	0.67
rx318247	APOE	19	T/C	CT	15.7%	2.87
rx372971	AC011481.3	19	G/T	GG	63.6%	0.538

年齢別有病率の推移



疫学情報出典

・「平成 29 年患者調査」(厚生労働省)

参考文献

・ Dummy D, Dummy, 2021, Dummy

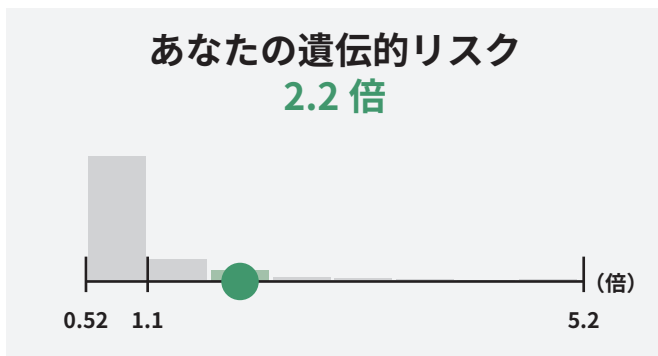
認知症

レビー小体型認知症

高い

遺伝子解析結果

遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは高いことが判りました。



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx1129177	GBA	1	C/T	CC	99.0%	0.989
rx5622728	BIN1	2	C/T	CC	36.6%	0.884
rx5488277	TMEM175	4	C/T	TT	10.4%	1.20
rx6579446	SNCA-AS1	4	A/C	CA	46.0%	1.06
rx658338	APOE	19	G/A	AG	12.1%	1.96

参考文献

・ Dummy D, Dummy, 2021, Dummy

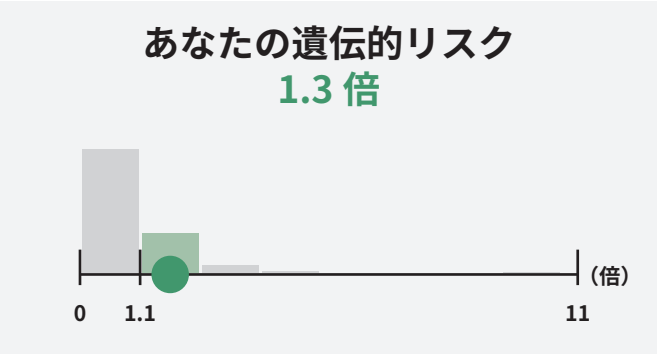
認知症

血管型認知症

平均より高い

遺伝子解析結果

遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均より高いことが判りました。



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx006723255	CNTNAP2	7	G/A	GG	98.4%	0.924
rx189116	SYK	9	A/G	GA	46.5%	1.05
rx318247	APOE	19	T/C	CT	25.6%	1.38

参考文献

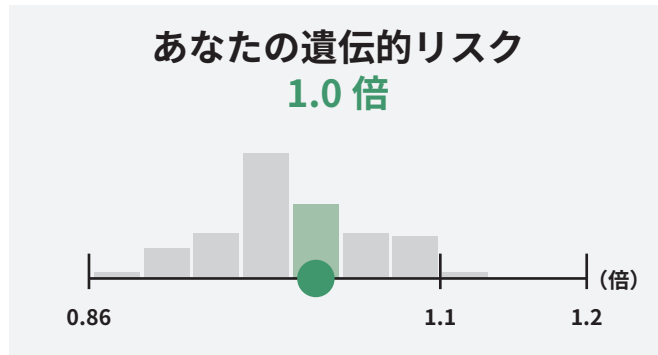
・ Dummy D, Dummy, 2021, Dummy

うつ
うつ

平均または平均より低い

遺伝子解析結果

遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均または平均より低いことが判りました。



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx5576913	AL513166.1	1	C/T	TC	13.0%	0.974
rx0302462	PCDH9	13	G/A	AG	47.1%	0.992
rx0346146	AC068875.1	15	A/G	GG	37.6%	1.03
rx2674123	RBFOX1	16	C/T	TT	70.2%	1.01
rx8512219	MIR1281, AL080243.2	22	G/A	GG	89.4%	0.995

参考文献

・ Dummy D, Dummy, 2021, Dummy

202105110002520001

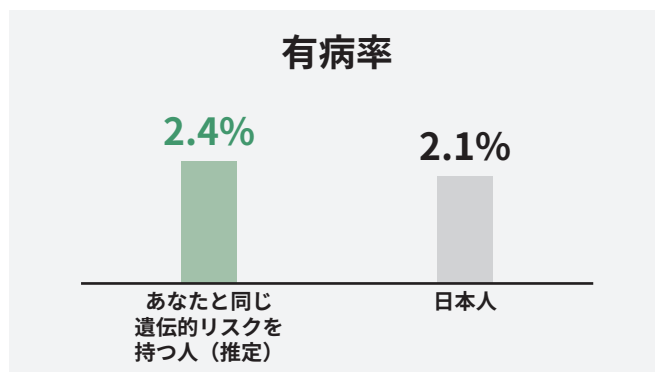
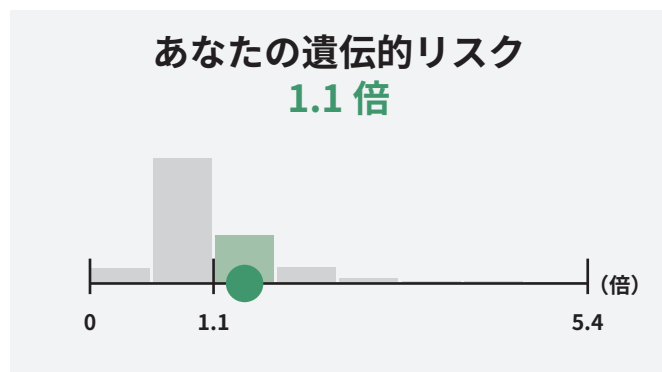
糖尿病

2 型糖尿病

平均より高い

遺伝子解析結果

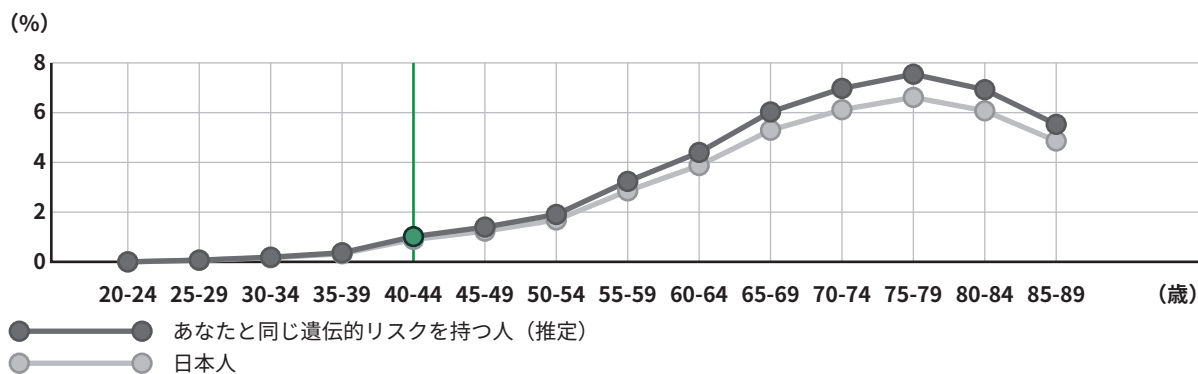
遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均より高いことが判りました。



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx6501352	UBE2E2	3	A/C	CC	65.9%	1.05
rx720460	PSMD6	3	T/C	CT	46.8%	0.976
rx0369468	IGF2BP2	3	A/C	CA	37.9%	1.08
rx5704353	MAEA	4	G/C	GG	17.2%	0.863
rx1195623	CDKAL1	6	C/T	CC	39.4%	0.866
rx8369683	ZFAND3	6	T/C	CT	42.6%	1.04
rx5356025	GCC1-PAX4	7	A/G	GG	65.6%	1.03
rx680484	MIR129-LEP	7	G/A	AG	22.1%	1.12
rx404960	ANK1	8	A/G	GA	27.2%	0.891
rx02155523	SLC30A8	8	T/C	CC	31.3%	1.18
rx6930736	GLIS3	9	G/A	AG	49.9%	1.00
rx06473388	PTPRD	9	C/T	CC	79.0%	0.885
rx1272197	CDKN2B	9	G/A	AG	47.1%	0.945
rx00676681	GPST1	9	G/A	AA	92.5%	1.01
rx00146544	CDC123	10	C/T	TC	49.5%	0.982
rx0000764	HHEX	10	T/C	TT	50.9%	0.899
rx6890584	TCF7L2	10	T/C	TT	95.0%	0.979
rx09775360	GKR5	10	T/C	CC	63.0%	1.04
rx1963085	KCNQ1	11	T/G	GG	39.4%	1.23
rx6392420	RASGRP1	15	C/T	CC	41.7%	0.932
rx6061321	C2CD4A-C2CD4B	15	G/A	AA	41.2%	1.08
rx3412846	SRP	17	G/T	TT	45.1%	1.15
rx201346	SLC16A13	17	A/G	AA	79.0%	0.957
rx3329685	HNF1B	17	A/G	AA	50.4%	0.898
rx2675786	PEPD	19	G/A	AG	48.2%	0.98
rx00560553	GIPR	19	G/A	AG	48.5%	1.01
rx5906206	FITM2-R3HDML-HNF4A	20	T/G	GT	49.3%	1.00
rx4834215	DUSP9	X	G/A	AA	39.5%	1.12

年齢別有病率の推移



疫学情報出典

- ・「平成 29 年患者調査」(厚生労働省)

参考文献

- ・ Hara K, Hum Mol Genet, 2014, Genome-wide association study identifies three novel loci for type 2 diabetes.
- ・ Imamura M, Hum Mol Genet, 2012, A single-nucleotide polymorphism in ANK1 is associated with susceptibility to type 2 diabetes in Japanese populations.
- ・ Cho YS, Nat Genet, 2012, Meta-analysis of genome-wide association studies identifies eight new loci for type 2 diabetes in east Asians.
- ・ Takeuchi F, Diabetes, 2009, Confirmation of multiple risk Loci and genetic impacts by a genome-wide association study of type 2 diabetes in the Japanese population.
- ・ Yamauchi T, Nat Genet, 2010, A genome-wide association study in the Japanese population identifies susceptibility loci for type 2 diabetes at UBE2E2 and C2CD4A-C2CD4B.
- ・ Yasuda K, Nat Genet, 2008, Variants in KCNQ1 are associated with susceptibility to type 2 diabetes mellitus.
- ・ Li H, Diabetes, 2013, A genome-wide association study identifies GRK5 and RASGRP1 as type 2 diabetes loci in Chinese Hans.
- ・ Tsai FJ, PLoS Genet, 2010, A genome-wide association study identifies susceptibility variants for type 2 diabetes in Han Chinese.
- ・ Okada Y, Nat Genet, 2012, Common variants at CDKAL1 and KLF9 are associated with body mass index in east Asian populations.

高血圧

高血圧

平均または平均より低い

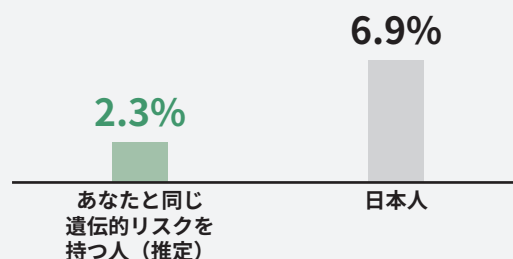
遺伝子解析結果

遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均または平均より低いことが判りました。

あなたの遺伝的リスク 0.33 倍



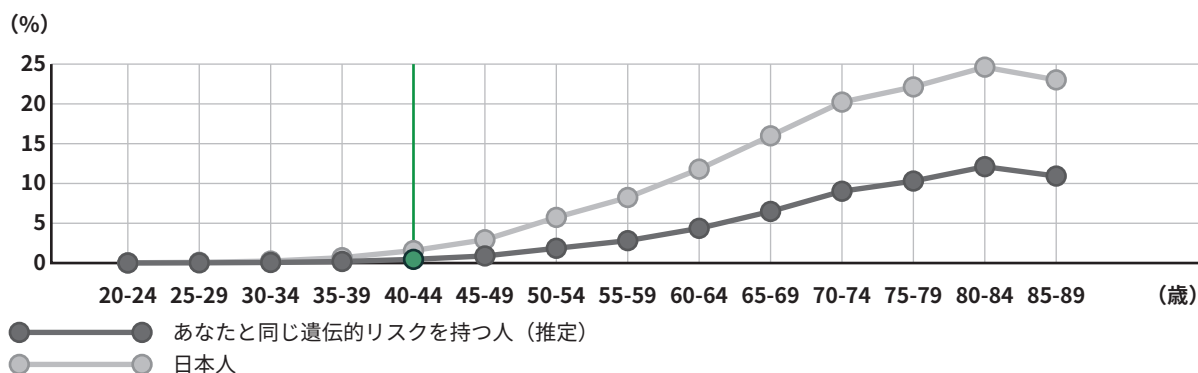
有病率



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx779204	CASZ1	1	T/C	CT	47.7%	0.768
rx09634221	MOV10	1	G/A	GG	3.45%	0.83
rx0891748	FGF5	4	T/C	CT	48.2%	1.03
rx0062655	NPR3	5	T/C	TT	11.7%	0.405
rx1910672	CYP21A2	6	T/C	CC	61.6%	1.04
rx3398655	CYP17A1	10	C/T	TT	49.1%	1.23
rx06138643	ATP2B1	12	A/G	GA	44.2%	0.535
rx00955179	PTPN11	12	A/T	TT	51.6%	1.70

年齢別有病率の推移



疫学情報出典

・「平成 29 年患者調査」(厚生労働省)

参考文献

- ・ Lu X, Hum Mol Genet, 2015, Genome-wide association study in Chinese identifies novel loci for blood pressure and hypertension.
- ・ Kato N, Nat Genet, 2011, Meta-analysis of genome-wide association studies identifies common variants associated with blood pressure variation in east Asians.

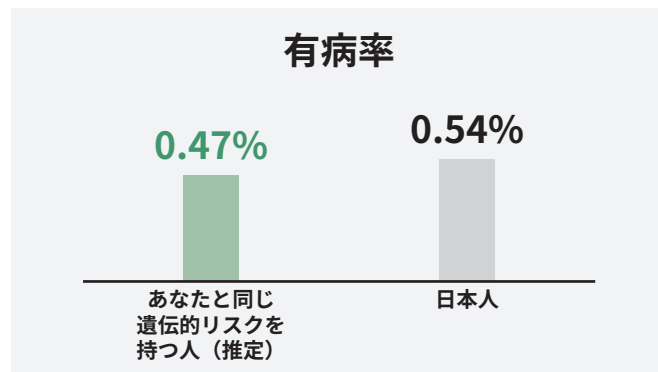
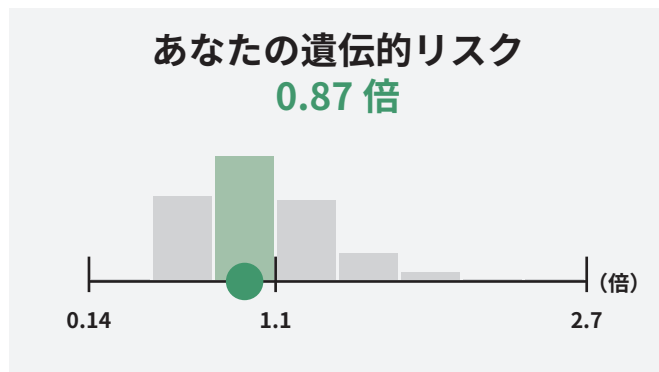
冠動脈疾患

冠動脈疾患

平均または平均より低い

遺伝子解析結果

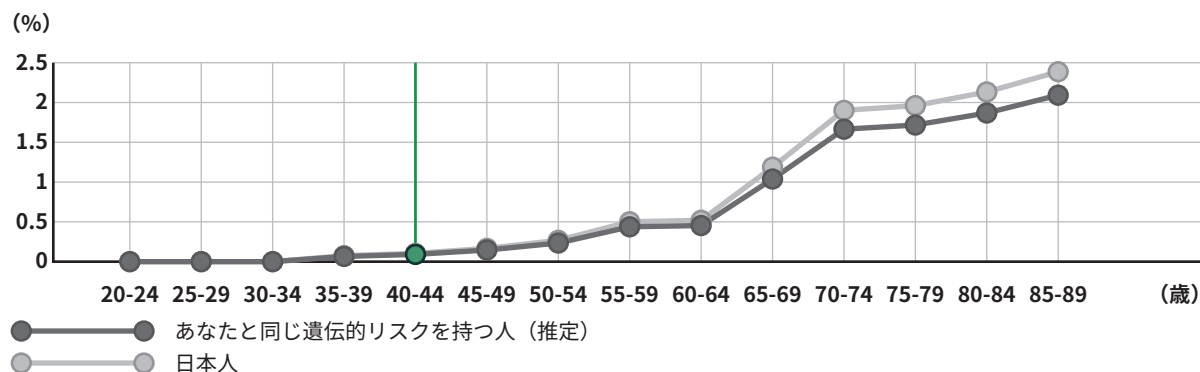
遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均または平均より低いことが判りました。



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx1012425	TTC32-WDR35	2	C/T	CC	44.6%	0.924
rx0731785	GUCY1A3	4	G/T	TT	52.7%	1.07
rx8238268	PHACTR1	6	A/G	GA	43.8%	0.948
rx8157391	C6orf10-BTNL2	6	A/G	GG	36.8%	1.11
rx09646163	CDKN2A/B	9	A/G	GA	49.8%	0.993
rx6025148	ATP2B1	12	C/T	CC	42.3%	0.927
rx00955179	C12orf51	12	T/A	TT	51.6%	0.901

年齢別有病率の推移



疫学情報出典

- ・「平成 29 年患者調査」(厚生労働省)

参考文献

- ・ Lu X, Nat Genet, 2012, Genome-wide association study in Han Chinese identifies four new susceptibility loci for coronary artery disease.

202105110002520001

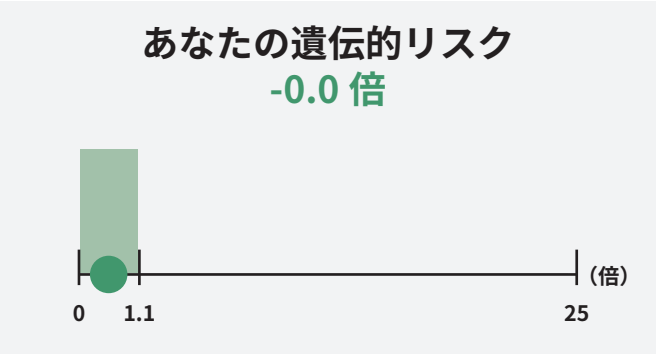
高コレステロール血症

高コレステロール血症

平均または平均より低い

遺伝子解析結果

遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均または平均より低いことが判りました。



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx036832504	MIR4422,PLPP3	1	G/A	AA	98.0%	1.01
rx559139	CELSR2	1	C/T	CC	90.2%	0.512
rx442316	LOC101927787,LINC01132	1	T/C	TT	56.2%	0.016
rx64241018	HS1BP3	2	T/C	CC	94.0%	1.04
rx2735550	HMGCR	5	G/A	GA	50.0%	0.223
rx5771965	TIMD4	5	C/T	CT	38.4%	0.504
rx17426388	MIR148A,NFE2L3	7	C/A	CC	16.8%	0.00348
rx06034627	TBL2	7	T/C	CC	81.0%	1.22
rx64103010	UBXN2B,CYP7A1	8	T/C	TC	38.4%	-0.0616
rx1990735	TRIB1,LINC00861	8	C/T	CC	34.8%	0.00584
rx8300267	ABO	9	A/C	AC	30.7%	0.0831
rx30179267	OIT3	10	G/T	GT	39.4%	-0.0933
rx002821615	ZPR1	11	T/C	TC	7.67%	-0.0599
rx64950288	NR1H4	12	A/G	AG	42.0%	0.0674
rx68094147	CUX2	12	A/C	AC	36.4%	0.10
rx6204482	RPH3A	12	T/G	TT	27.0%	0.00417
rx45892659	AQP9,LIPC	15	T/C	CC	50.4%	1.93
rx66292449	DHODH,HP	16	T/C	CC	57.7%	1.79
rx2982568	TNFAIP1	17	A/G	GG	67.2%	1.51
rx1627353	LDLR	19	C/G	CC	51.8%	0.0504
rx658335	APOE	19	C/T	TT	84.6%	1.29
rx45557092	ZHX3	20	C/T	CT	40.3%	0.366

参考文献

・ Dummy D, Dummy, 2021, Dummy

アトピー性皮膚炎

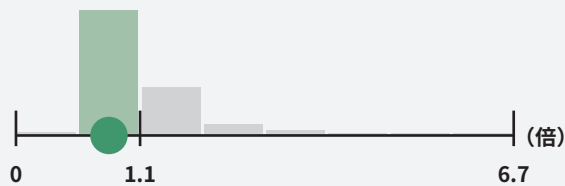
アトピー性皮膚炎

平均または平均より低い

遺伝子解析結果

遺伝子解析結果からあなたの遺伝的リスクは平均または平均より低いことが判りました。

あなたの遺伝的リスク 0.34 倍



SNP 一覧

SNP ID	遺伝子名	染色体番号	アレル	あなたの遺伝子型	集団内の頻度	あなたの遺伝的リスク
rx2015974	FLG-AS1	1	G/A	AG	46.4%	0.939
rx50702764	LCE3E, CRCT1	1	C/G	CC	99.0%	0.993
rx1117034	IL6R	1	A/C	AA	45.8%	0.95
rx09088594	LINC00299	2	A/G	GA	39.2%	0.981
rx001000347	CD207, LINC01143	2	G/A	AA	64.6%	1.02
rx02904603	IL18R1	2	T/G	TT	34.6%	0.81
rx5308462	SDR42E1P5, IL18R1	2	C/T	CC	34.1%	0.914
rx6502940	GLB1	3	G/A	GG	27.2%	0.771
rx01523118	CCDC80, AC048334.1	3	T/C	TT	45.0%	0.833
rx09103126	AC112204.3, IL7R	5	C/T	TC	31.9%	0.965
rx01077806	TH2LCRR	5	T/C	TT	67.0%	0.951
rx0184575	TH2LCRR, IL13	5	T/C	CT	45.8%	0.933
rx3694851	AC004039.1, KIF3A	5	C/T	TT	48.0%	1.05
rx1786331	AC004039.1, KIF3A	5	T/C	CC	69.3%	1.02
rx8257566	HLA-B	6	A/G	GG	63.0%	1.11
rx065984	GPSM3, PBX2	6	G/A	AA	65.4%	1.11
rx8358988	TSBP1-AS1, TSBP1	6	A/G	GA	27.1%	0.705
rx3602444	HLA-DRB1, HLA-DQA1	6	T/G	GT	39.3%	0.955
rx3611393	AC024028.1	7	T/C	CT	45.7%	1.04
rx5362116	AC034114.2	8	A/C	CA	49.0%	0.994
rx5362116	MRPS21, CIART	8	A/C	CA	49.0%	0.994
rx5591253	IL15RA, IL2RA	10	C/G	GC	42.1%	1.01
rx09884140	AC024598.1, AC067752.1, ZNF365	10	T/C	CC	16.1%	1.32
rx767759	NLRP10, OR10A3	11	T/C	CT	48.6%	0.94
rx368733	OVOL1, AP5B1	11	A/G	GA	39.2%	1.04
rx09680713	OVOL1	11	A/G	GA	49.9%	0.997
rx1101323	AP001189.2, EMSY	11	C/T	TC	48.6%	1.01
rx6816783	AP001189.2, EMSY	11	C/T	CC	61.7%	0.966
rx6016296	ETS1, LINC02098	11	C/T	TC	48.4%	1.00
rx1032849	FAM177A1, PPP2R3C	14	C/T	TC	45.7%	1.02
rx1930622	CLEC16A	16	C/T	TC	42.1%	0.968

SNP ID	遺伝子名	染色体 番号	アレル	あなたの 遺伝子型	集団内の 頻度	あなたの 遺伝的リスク
rx1053872	AC243312.1, LINC01862	19	C/A	CC	78.6%	0.973
rx1807296	AC243312.1, LINC01862	19	A/G	AA	78.6%	0.973
rx05888054	AL133335.2, PFDN4	20	G/A	AG	40.4%	0.921
rx3798108	RTEL1-TNFRSF6B, RTEL1	20	C/A	CC	51.2%	0.94
rx5909519	RTEL1-TNFRSF6B, RTEL1	20	A/G	AA	49.9%	0.949

参考文献

・ Dummy D, Dummy, 2021, Dummy

お問い合わせ先

メガネスーパーお問い合わせ窓口

0120-209-060 お問い合わせ受付時間（平日） 10：00 ～ 18：00